BEST AVAILABLE COPY

PCT

世界知的所有権機關 国際事務局 特許協力条約に基づいて公開された国際出願



(51) 国際特許分類6 C12N 5/10, 15/62, C07K 19/00, 14/715, 14/72

(11) 国際公開番号 A1

WO97/32971

(43) 国際公開日

1997年9月12日(12.09.97)

(21) 国際出願番号

PCT/JP97/00687

(22) 国際出願日

1997年3月5日(05.03.97)

(30) 優先権データ

特願平8/47796

1996年3月5日(05.03.96)

(71) 出願人(米国を除くすべての指定国について)

株式会社 ディナベック研究所

(DNAVEC RESEARCH INC.)[JP/JP]

〒305 茨城県つくば市観音台1丁目25番11号 Ibaraki, (JP)

(72) 発明者;および

(75) 発明者/出願人(米国についてのみ)

小澤敬也(OZAWA, Keiya)[JP/JP]

〒329-04 栃木県河内郡南河内町抵園3-1-3 C-201 Tochigi, (JP)

伊藤克久(ITOH, Katsuhisa)[JP/JP]

坂田恒昭(SAKATA, Tsuneaki)[JP/JP]

上田泰次(UEDA, Yasuji)[JP/JP]

長谷川護(HASEGAWA, Mamoru)[JP/JP]

〒305 茨城県つくば市観音台1丁目25番11号

株式会社 ディナベック研究所内 Ibaraki, (JP)

(74) 代理人

弁理士 清水初志(SHIMIZU, Hatsushi)

〒300 茨城県土浦市卸町1-1-1

関鉄つくばビル6階 Ibaraki,(JP)

(81) 指定国 AL, AM, AT, AU, AZ, BA, BB, BG, BR, BY, CA, CH, CN, CU, CZ, DE, DK, EE, ES, FI, GB, GE, GH, HU, IL, IS, JP, KE, KG, KR, KZ, LC, LK, LR, LS, LT, LU, LV, MD, MG, MK. MN, MW, MX, NO, NZ, PL, PT, RO, RU, SD, SE, SG, SI, SK, TJ, TM, TR, TT, UA, UG, US, UZ, VN, YU, ARIPO特許 (GH, KE, LS, MW, SD, SZ, UG), ユーラシア特許 (AM, AZ, BY, KG, KZ, MD, RU, TJ, TM), 欧州特許 (AT, BE, CH, DE, DK, ES, FI, FR, GB, GR, IE, IT, LU, MC, NL, PT, SE), OAPI特許 (BF, BJ, CF, CG, CI, CM, GA, GN, ML, MR, NE, SN, TD, TG).

添付公開書類

国際調査報告書

GENE THAT IMPARTS SELECTIVE PROLIFERATIVE ACTIVITY

(54)発明の名称 選択的増殖性を付与する遺伝子

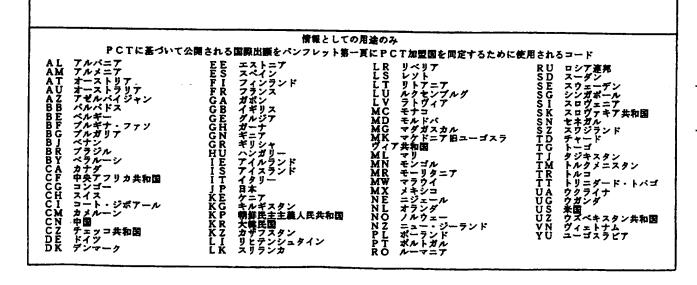
(57) Abstract

(54) Title:

It has become possible to amplify cells selectively by introducing thereinto a gene coding for a fusion protein containing (a) a region to which a ligand binds, (b) a region which causes association when a ligand binds to the region (a) and (c) a region which imparts the cells a proliferative activity when the association occurs, and giving the cells ligand stimulation.

(57) 要約

(a) リガンドが結合する領域、(b) (a) の領域にリガンドが結合すると会合する領域、及び(c) 会合すると細胞に増殖活性を付与する領域、を含む融合タンパク質をコードする遺伝子を細胞に導入し、該細胞にリガンド刺激を与えることにより、該細胞を選択的に増幅させることが可能となった。



WO 97/32971 PCT/JP97/00687

明細書

選択的増殖性を付与する遺伝子

技術分野

本発明は、遺伝子工学分野、特に遺伝子治療の分野に関する。

背景技術

先天的又は後天的に遺伝子に欠陥があるために発症する病気、即ち、遺伝子疾 患に対しては、これまで様々な治療法が考えられてきた。その一つとして、欠陥 遺伝子そのものを正常な遺伝子と入れ換えたり、正常な遺伝子を補ったりするこ とにより、遺伝子疾患を根本的に解決しようとするのが、遺伝子治療である。こ の遺伝子治療に当たって重要なことは、正常な遺伝子を標的細胞に正確に導入す ると共に、導入した遺伝子を正確に発現させることである。正常な遺伝子を標的 細胞に導入するための遺伝子のベクターとしては、これまで、レトロウイルスベ クター、アデノウイルスベクター、アデノ随伴ウイルスベクター等のウイルスベ クターや、リポソーム等に代表される非ウイルスベクターが用いられてきた。し かし、いずれも標的細胞への遺伝子の導入効率が低い等の欠点が存在した。また 、導入された遺伝子の発現効率が悪い等の欠点もあったため治療に不十分な場合 が多かった。この場合でも、アデノシンデアミナーゼ (ADA) 欠損症のように、正 常ADA遺伝子が導入された細胞が生存優位性 (survival advantage) あるいは増殖 優位性 (growth advantage) を獲得し、体内で次第に選択され優位になっていく ものと期待されるものであれば、たとえ遺伝子導入効率が低くても次第に治療効 果が現れるようになっていく可能性がある。しかし、このような体内での選択性 が期待できないタイプの治療用遺伝子を導入する必要のある場合も多く、遺伝子 を導入した細胞を選択的に増幅させるシステムの確立が望まれていた。

ところで、G-CSFは、好中球を選択的に増殖させるサイトカイン (造血因子) として従来から考えられてきたが、近年、G-CSFを投与すると、好中球の増加がみられるばかりでなく、造血幹細胞/前駆細胞の体内プールの増加がみられることが

報告された(臨床血液.,35,1080(1994))。また、G-CSFが機能する機構として、G-CSF刺激によりG-CSF受容体が活性化されるときには、G-CSF受容体の二量体化がみられること(Proc Growth Factor Res.,3(2),131-141(1991))や、G-CSF受容体には、増殖誘導ドメインと分化誘導ドメインが存在することが報告された(Cell.,74,1079-1087(1993))。さらに、G-CSF受容体同様、二量体化により活性化する受容体としては、エストロゲン受容体が知られており(J Biol Chem., 264,2397-2400(1989))、細胞内でエストロゲン受容体とc-Ablチロシンキナーゼの融合タンパク質を発現させることによりc-Ablチロシンキナーゼの活性化が起こることも報告された(The EMBO Journal.,12,2809-2819(1993))。

発明の開示

本発明は、治療用遺伝子を導入した造血幹細胞等を体内あるいは体外で選択的 に増幅させることにより、遺伝子導入効率が低いという問題点を克服することを 狙ったもので、造血幹細胞等を標的とした遺伝子治療の基盤技術を提供すること を目的とする。

現在、遺伝子治療の分野においては、標的細胞への遺伝子の導入効率及び導入された遺伝子の発現効率の面で克服すべき課題が多い。従って、遺伝子導入がなされた標的細胞のみを選択的に増殖させるシステムが確立されれば、大きな飛躍がもたらされることは、明らかである。特に、赤血球、白血球など多くの血液細胞の基となる細胞であり、遺伝子治療の標的細胞として最も好ましいとされる造血幹細胞に対し、かかるシステムが確立されれば、遺伝子治療の分野における貢献度は、非常に大きい。

本発明者らは、好中球を選択的に増殖させるサイトカイン(造血因子)として 従来から考えられてきたG-CSFが、造血幹細胞の増殖をも引き起こし、このG-CSF 受容体が活性化される際に、G-CSF受容体の二量体化がみられることに鑑み、遺伝 子工学的手法を用いて工夫したG-CSF受容体の二量体化により、造血幹細胞を増殖 させるシステムを想到した。また、エストロゲン刺激によりエストロゲン受容体 が二量体化するということに鑑み、G-CSF受容体遺伝子とエストロゲン受容体遺伝 子のキメラ遺伝子を作製し、そのキメラ遺伝子を導入した細胞に対して外部から エストロゲン刺激を与えることにより、強制的にキメラ遺伝子産物中のG-CSF受容体部分を二量体化させることを想到した。

即ち、本発明者らは、外部からのエストロゲン刺激により、キメラ遺伝子産物中のG-CSF受容体部分の活性化を引き起こし、遺伝子を導入した造血幹細胞を選択的に増殖させるシステムを新規に開発し、これを遺伝子治療の分野に応用すべく本発明を完成した。

本発明は、リガンドが結合する領域、該領域にリガンドが結合すると会合する領域、及び、会合すると細胞に増殖活性を付与する領域、とを含む融合タンパク質、該融合タンパク質をコードする遺伝子を含むベクター、該ベクターを含む細胞及びステロイドホルモンを作用させることにより該細胞を体内ないし体外で選択的に増殖させる方法等に関する。また、本発明は、該ベクターが外来遺伝子を含む場合は、該外来遺伝子が導入された細胞を選択的に増殖させる方法等に関する。

より具体的には、

- (1) (a) リガンドが結合する領域、(b) (a) の領域にリガンドが結合すると会合する領域、及び(c) サイトカイン受容体又はその一部からなり、会合すると細胞に増殖活性を付与する領域、を含む融合タンパク質、
- (2) 「サイトカイン受容体又はその一部からなり、会合すると細胞に増殖活性を付与する領域」が、G-CSF受容体に由来する、(1)記載の融合タンパク質、
- (3) 「リガンドが結合する領域」がステロイドホルモン受容体に由来する、(1) 記載の融合タンパク質、
- (4) ステロイドホルモン受容体がエストロゲン受容体である、(3)記載の融合タンパク質、
- (5) (1)記載の融合タンパク質をコードする遺伝子を含むベクター、
- (6) (5) 記載のベクターを保持する細胞、
- (7) (6)記載の細胞に対して、(-1)記載の融合タンパク質の「リガンドが結合するドメイン」に作用するリガンドを作用させて、(6)記載の細胞を選択的に増殖させる方法、
- (8)(a)リガンドが結合する領域、(b)(a)の領域にリガンドが結合する

と会合する領域、及び(c)会合すると細胞に増殖活性を付与する領域、とを含む融合タンパク質をコードする遺伝子と所望の外来遺伝子、を含むベクター、

- (9) 「会合すると細胞に増殖活性を付与する領域」がサイトカイン受容体に由来する、(8)記載のベクター、
- (10) サイトカイン受容体がG-CSF受容体である(9)記載のベクター、
- (11) 「リガンドが結合する領域」がステロイドホルモン受容体に由来する、
- (8)記載のベクター、
- (12) ステロイドホルモン受容体がエストロゲン受容体である (11) 記載の ペクター、
- (13) 「融合タンパク質をコードする遺伝子」と「外来遺伝子」とが同一の分子上に位置している(8)記載のベクター、
- (14) 「融合タンパク質をコードする遺伝子」と「外来遺伝子」とが別々の分子上に位置している(8)記載のベクター、
- (15) (8)~(14)のいずれかに記載のベクターを保持する細胞、
- (16) (15)記載の細胞に対して、(8)記載のベクターに含まれる遺伝子がコードする融合タンパク質の「リガンドが結合するドメイン」に作用するリガンドを作用させて、(15)に記載の細胞を選択的に増殖させる方法、
- (17) (a) (5) または (8) に記載のベクター、及び (b) 該ベクターに含まれる遺伝子がコードする融合タンパク質の「リガンドが結合するドメイン」に作用するリガンド、を含むキット、

に関する。

本発明に用いられるリガンドは、特定のタンパク質に作用することにより該タンパク質を会合せしめるものであれば、特に制限はないが、ステロイドホルモンが好適である。ステロイドホルモンとしては、例えば、エストロゲン、アンドロゲン、アコゲステロン、グルココルチコイド、ミネラルコルチコイドなどが挙げられ、それぞれの受容体タンパク質との組み合わせで用いられる。また、本発明に用いられるサイトカイン受容体は、会合することによって細胞に増殖活性を付与するものであればよく、例えば、G-CSFなどサイトカイン受容体ファミリーに属するものや、c-kitやflk2/flt3などのようにチロシンキナーゼ受容体ファミリー

に属するもの等がある。

本発明の融合タンパク質における「細胞に増殖活性を付与する領域」としては、細胞内増殖シグナルを伝える分子、例えば、サイトカイン受容体分子全体を用いることが可能であるが、分子中の細胞に増殖活性を付与する領域のみを用いることも可能である。この場合、融合タンパク質遺伝子が導入された細胞の分化を起こさず増殖のみを起こすので、該細胞をそのままの形で増殖させる際に有利である。さらに、本発明において用いられるベクターには、融合タンパク質をコードする遺伝子を含む単一種分子のベクター、融合タンパク質をコードする遺伝子を含むべクターの他、融合タンパク質をコードする遺伝子を含むベクターの他、融合タンパク質をコードする遺伝子を含むベクターと外来遺伝子を含むベクターの組み合わせからなる複数種の分子からなるベクター系、例えば、パイナリーベクター系も含まれる。この複数種の分子からなるベクター系は通常、共形質転換(co-transformation)によって細胞に導入される。

なお、融合タンパク質をコードする遺伝子と外来遺伝子とを同一のベクターに挿入する場合には、IRES (internal ribosome entry site) (特表平6-509713号公報)を含むジシストロニックの形にすることができる。例えば、「5'ープロモーターー外来遺伝子ーIRESー融合タンパク質をコードする遺伝子ー3'」の構成を有するベクター、又は、「5'ープロモーターー融合タンパク質をコードする遺伝子ーIRESー外来遺伝子ー3'」の構成を有するベクターを用いることができる。該融合タンパク質遺伝子を発現している細胞のほぼ全てが外来遺伝子を発現しているようにするには、前者の形が一般に用いられる。

また、本発明において、ベクターの導入される細胞としては、造血幹細胞、リンパ系細胞、これら血球系以外の細胞などが挙げられる。特に、本発明は、自己複製能を有する造血幹細胞に好適に適用される。なお、本発明において細胞に導入される外来遺伝子については、特に制限はないが、遺伝子治療の分野においては、欠陥遺伝子に対応する正常な遺伝子を用いるのが有効である。

図面の簡単な説明

図1の(A)は、G-CSF受容体とエストロゲン受容体のキメラ分子 (GCRER) を示す

。(B)は、G-CSF受容体とエストロゲン受容体のキメラ分子のうち、G-CSF受容体の5番目から195番目のアミノ酸が欠失した変異体 (GCR Δ (5-195)/ER) を示す。(C)は、G-CSF受容体とエストロゲン受容体のキメラ分子のうち、G-CSF受容体の5番目から195番目及び725番目から756番目のアミノ酸が欠失した変異体 (GCR Δ (5-195、725-756)/ER) を示す。

図2は、G-CSF受容体とエストロゲン受容体のキメラ遺伝子を組み込んだレトロウイルスペクター「pMX」を示す図である。

図3は、「pCMX-GCRER」を用いて形質転換したBa/F3細胞の増殖を経時的に示す 図である。

図4は、「pCMX-GCRER」を用いて形質転換したBa/F3細胞に対し、様々な濃度のエストラジオール刺激を与えた後の、Ba/F3細胞の増殖を経時的に示す図である。

図 5 は、「pCMX-GCR Δ (5-195)/ER」を用いて形質転換したBa/F3細胞の増殖を経時的に示す図である。

図6は、プラスミド「pCMX-GCRER-IRES-CD24」を示す図である。

図7は、プラスミド「pCMX-GCR Δ (5-195)/ER-IRES-CD24」を示す図である。

図8は、プラスミド「pCMX-GCR Δ (5-195、725-756)/ER-IRES-CD24」を示す図である。

図9は、「 $pCMX-GCR\Delta$ (5-195)/ER-IRES-CD24」を導入したBa/F3細胞におけるCD24の発現をフローサイトメトリーにより検出した図である。上は、「 $pCMX-GCR\Delta$ (5-195)/ER-IRES-CD24」を導入したBa/F3細胞での結果を示し、下は対照として用いた「 $pCMX-GCR\Delta$ (5-195)/ER」を導入したBa/F3細胞での結果を示す(なお、死細胞検出のために用いたヨウ化プロビディウムからのシグナルもデーターに含まれている)。

図10は、「vMXGCRER」が導入された骨髄細胞により構成された顆粒球-マクロファージ系コロニーを示す顕微鏡写真である。

図 1-1 は、「 $vMXGCR\Delta$ (5-195)/ER」が導入された骨髄細胞により構成された赤芽球系コロニーを示す顕微鏡写真である。

図12は、「vMXGCRER」が導入された骨髄細胞より分化したマクロファージを ライトギムザ染色した顕微鏡写真である。 図13は、「 $vMXGCR\Delta(5-195)/ER$ 」が導入された骨髄細胞より分化した赤芽球をライトギムザ染色した顕微鏡写真である。

発明を実施するための最良の形態

[実施例1] 選択的増幅遺伝子であるG-CSF受容体/エストロゲン受容体キメラ遺伝子の作製

G-CSF受容体全体とエストロゲン受容体のリガンド(エストロゲン)結合領域のキメラタンパク質(以下、単に「GCRER」と称する)が産生されるように、それぞれのタンパク質をコードするcDNAの融合遺伝子を作製した(図 1(A))。次いで、G-CSFに対する反応性を欠いたキメラタンパク質を産生するために、「GCRER」に対応する融合遺伝子のうちG-CSF受容体の細胞外ドメインの5番目のGluから195番目のLeuまでの部分を除いた変異誘導体(以下、単に「GCR Δ (5-195)/ER」と称する)を作製した(図 1(B))。さらに該変異誘導体から、G-CSF受容体の分化誘導ドメイン(725~756)を含んだ部分を除いた変異誘導体(以下、単に「GCR Δ (5-195、725-756)/ER」と称する)を作製した(図 1(C))。

[実施例2] 選択的増幅遺伝子であるG-CSF受容体/エストロゲン受容体キメラ遺伝子が導入されたBa/F3細胞の単離

X-GCR Δ (5-195、725-756)/ER」の場合は、16ウェル中13ウェルで、IL-3非依存性・エストロゲン依存性の細胞増殖がみられた。なお、「pCMX-GCRER」の代わりにレトロウイルスベクターである「pMX」(Exp. Hematol. 24: 324(1996)) に「GCRE R」を挿入したもの(以下、単に「pMX-GCRER」と称する)(図2)を用いて同様の実験を行ったところ、各1細胞を含む24ウェル中2ウェルで、IL-3非依存性・エストロゲン依存性の細胞増殖がみられた。また、「pCMX-GCRER」を導入した細胞に対し、エストラジオールに代えて、1nMのG-CSFを加えたところ、G-CSFで増殖のあるウェルは、エストラジオールで増殖のあるウェルと一致した。さらに、ブラスミド未導入のBa/F3細胞をコントロールとして用いたところ、G-CSF及びエストラジオールによる増殖は認められなかった。なお、目的の融合タンパク質が細胞内で生産されていることは、抗G-CSF受容体抗体又は抗エストロゲン受容体抗体を用いたウエスタンブロッティング法により確認した。

[実施例3] エストラジオールによる細胞増殖の解析

実施例2で限界希釈法にて得たクローンのうち、エストラジオールに対する反応性の良いものを選択し、以下の実験 (XTTアッセイ) に用いた。

まず、「pCMX-GCRER」を導入したBa/F3細胞にて検討を行った。この結果、G-CSF及びエストラジオール刺激にて、IL-3非依存性の細胞増殖が認められた(図3)。さらに、エストラジオール濃度を $10^{-14}\sim10^{-7}$ Mの間で変化させて同様の実験を行ったところ、 $10^{-9}\sim10^{-7}$ Mの間で細胞増殖が認められた(図4)。これにより、 $10^{-9}\sim10^{-7}$ Mの間の濃度によるエストラジオール刺激により、細胞増殖シグナルが伝達されることが示唆された。

次いで、「 $pCMX-GCR\Delta(5-195)/ER$ 」を導入したBa/F3細胞にて検討をおこなった。この結果、G-CSF刺激による細胞増殖はブロックされ、エストラジオール刺激によってのみ細胞増殖が認められた(図 5)。

同様に、「 $pCMX-GR\Delta(5-195,725-756)/ER$ 」を導入したBa/F3細胞でも、エストロゲン刺激で細胞増殖が起こり、G-CSFに対する反応性は認められなかった。

「実施例4」 IRES-CD24発現プラスミドの作成

「pCMX-GCRER」をHindIII, EcoRIで切断し、ベクター断片(「断片1」)を回収した。また、「pCMX-GCRER」および「pCMX-GCR Δ (5-195)/ER」それぞれから、Hi

ndIIIとKpnI断片(それぞれ「断片2」:1672bp、「断片3」:1099bp)、EcoRIとKpnI断片(それぞれ「断片4」:1888bp、「断片5」:1792bp)を回収した。pBCEC(pBluescriptIIKSにEMCV由来のIRESとCD24を連結したもの,Migita,M., Proc.Natl.Acad.Sci.USA 92: 12075(1995))をApoIにて消化し、IRES-CD24を含む断片(「断片6」:950bp)を回収した。「断片1」、「断片2」、「断片4」、および「断片6」をライゲーションし「pCMXGCRER-IRES-CD24」(図 6)を、「断片1」、「断片3」、「断片4」、および「断片1」、「断片3」、「断片5」、「断片6」をライゲーションし「pCMX-GCR (② 7)を、「断片1」、「断片5」、「断片5」、「断片6」をライゲーションし「pCMX-GCR (② 7)を、「断片1」、「断片3」、「断片5」、「断片6」をライゲーションし「pCMX-GCR (② 7)を、「断片1」、「断片3」、「断片5」、「断片6」をライゲーションし「pCMX-GCR (② 7)を構築した。

[実施例5] CD24の細胞内発現

Ba/F3をPBSにて2回、「OPTI-MEMI」(Gibco-BRL社製)にて1回洗浄した10'細胞を0.2mlの「OPTI-MEMI」に懸濁し、「pCMX-GCRER-IRES-CD24」、「pCMX-GCR \(\text{(5-1} \) 95)/ER-IRES-CD24」、「pCMX-GCR \(\text{(5-1} \) 95)/ER-IRES-CD24」、「pCMX-GCR \(\text{(5-195}, 725-756)/ER-IRES-CD24」をそれぞれ10mgずつ加え、「Gene Pulser」(BioRad社製)を用いて290V、960mFにて導入した。導入後、2日間10% FCS, 10U/ml mIL-3 (R & D SYSTEMS社製)を含むRPMI培地にて培養した。10 知胞を5%FCS/PBSにて洗浄後、1mg/ml 抗CD24抗体 (Pharming en社製)を室温30分反応させ、5%FCS/PBSにて2回洗浄後、1:20希釈したPE標識抗マウス抗体(DAKO社製)を室温30分反応させ、5%FCS/PBSにて2回洗浄した。5mg/ml ヨウ化プロビジウム(propidium iodide)/ PBS 1mlに懸濁し、フローサイトメトリー (Becton Dickinson)にて585nmのディテクターを用いてCD24の発現の解析を行った。この結果、「pCMX-GCR \(\text{(5-195)/ER-IRES-CD24」が導入された細胞では、多くの細胞でCD24の発現が検出された。なお、pCMX-GCR \(\text{(5-195)/ER-IRES-CD24」が導入された細胞では、多くの細胞でCD24の発現が検出された。なお、pCMX-GCR \(\text{(5-195)/ER-IRES-CD24」が導入された細胞では、か導入された細胞の対照としては「pCMX-GCR \(\text{(5-195)/ER} \)」が導入された細胞を用いた。結果を図9および表1に示す。なお、死細胞検出のために用いたヨウ化プロビディウムからのシグナルもデーター値に含まれている。

表 1

導入プラスミド	抗CD24抗原(-)細胞	抗CD24抗原(+)細胞
pCMX-GCR△(5-195) /ER-IRES-CD24	59.77%	40.23%
pCMX-GCR △ (5-195)/ER	85.10%	14.90%

【実施例6】 プロジェニターアッセイ

6週齢C57BLマウス4匹に5-フルオロウラシル(5FU: 和光純薬社製)生理食塩水 溶液(10mg/ml)を300ml/匹静脈注射を行った。投与後2日目に、大腿骨より骨髄を 採取し、「Lympholyte-M」(Cederlane社製)上にて遠心 (1500rpm 、25℃、22分) により単核球を単離した。20%FCS、100U/ml IL6、100mg/mlラットSCFを添加した イスコフ変法ダルベッコ基本培地(IMDM; Gibco社製)にて2日間培養した。CH296 (宝酒造社製、Hanenberg, H. et al. Nature Med. 2: 876(1996)) をコートしたプ レート(1146:ファルコン社製)上にて、IL6とSCFにて前刺激した骨髄細胞10°を 、エコトロピックパッケージング細胞株「GP+E-86」 (J. Virol. 62: 1120(1988)) に「pMX-GCRER」を組み込み培養上清に得られたレトロウィルス「vMXGCRER」 、またはエコトロピックパッケージング細胞株「GP+E-86」に「 $pMXGCR \triangle (5-195)$ /ER」を組み込み培養上清に得られたレトロウィルス「vMXGCR△(5-195)/ER」を1 0⁸含む培養上清で懸濁し、IL6とSCFを添加し培養した。2,24,26,36,38時間後 にウィルス上清を交換した。6回目のウィルス上清交換の24時間後、細胞を10⁴/w ellになるようにメチルセルロースを含む培地(IMDM, 1.2% メチルセルロース 15 -00cp; Wako, 20% FCS, 1% 脱イオン化BSA, 10mM 2-メルカプトエタノール, 10-7M b-エストラジオール)にて培養した。10日培養後コロニーを顕微鏡観察した後、 塗抹標本を作成しライトギムザ染色後、構成細胞の同定を行った。

この結果、「vMXGCRER」「vMXGCRΔ(5-195)/ER」が感染した骨髄細胞では、エ

ストラジオール刺激で分化した顆粒球ーマクロファージ系コロニー、赤芽球系コロニーが観察された。エストラジオール刺激によって「vMXGCRER」感染骨髄細胞より形成された顆粒球ーマクロファージ系コロニーを図10に示す。エストラジオール刺激によって「vMXGCR Δ (5-195)/ER」感染骨髄細胞より形成された赤芽球系コロニーを図11に示す。これらのコロニーの構成細胞を塗抹標本にしてライトーギムザ染色したところ、分化した血球細胞像が得られた。「vMXGCRER」感染骨髄細胞より形成された顆粒球ーマクロファージ系コロニーの塗抹標本で観察されたマクロファージのにしてライトーギムザ染色像を図12に、「vMXGCR Δ (5-195)/ER」感染骨髄細胞より形成された赤芽球系コロニーの塗抹標本で観察された赤芽球のライトーギムザ染色像を図13に示す。

産業上の利用の可能性

本発明によって、外来遺伝子を導入した細胞を、外部刺激により選択的に増幅させることが可能となり、標的細胞への遺伝子の導入効率などが低い場合であっても、有効な遺伝子治療が行えるようになった。また、本発明における細胞の選択的増幅システムは、様々な血液細胞に適用が可能であるため、遺伝子治療の対象となる細胞の範囲の拡大が図られた。従って、本発明によって、特に遺伝子治療の分野において重要な基盤技術が提供された。

請求の範囲

- 1. (a) リガンドが結合する領域、(b) (a) の領域にリガンドが結合すると会合する領域、及び(c) サイトカイン受容体又はその一部からなり、会合すると細胞に増殖活性を付与する領域、を含む融合タンパク質。
- 2. 「サイトカイン受容体又はその一部からなり、会合すると細胞に増殖活性を付与する領域」が、G-CSF受容体に由来する、請求項1記載の融合タンパク質。
- 3. 「リガンドが結合する領域」がステロイドホルモン受容体に由来する、請求項1記載の融合タンパク質。
- 4. ステロイドホルモン受容体がエストロゲン受容体である、請求項3記載の融合タンパク質。
- 5. 請求項1記載の融合タンパク質をコードする遺伝子を含むベクター。
- 6. 請求項5に記載のベクターを保持する細胞。
- 7. 請求項6に記載の細胞に対して、請求項1記載の融合タンパク質の「リガンドが結合するドメイン」に作用するリガンドを作用させて、請求項6に記載の細胞を選択的に増殖させる方法。
- 8. (a) リガンドが結合する領域、(b) (a) の領域にリガンドが結合すると会合する領域、及び(c) 会合すると細胞に増殖活性を付与する領域、とを含む融合タンパク質をコードする遺伝子と所望の外来遺伝子、を含むベクター。
- 9. 「会合すると細胞に増殖活性を付与する領域」がサイトカイン受容体に由来する、請求項8記載のベクター。
- 10. サイトカイン受容体がG-CSF受容体である請求項9記載のベクター。
- 11. 「リガンドが結合する領域」がステロイドホルモン受容体に由来する、請求項8記載のベクター。
- 12. ステロイドホルモン受容体がエストロゲン受容体である請求項11記載のベクター。
- 13. 「融合タンパク質をコードする遺伝子」と「外来遺伝子」とが同一の分子上に位置している請求項8記載のベクター。
- 14.「融合タンパク質をコードする遺伝子」と「外来遺伝子」とが別々の分子

上に位置している請求項8記載のベクター。

- 15. 請求項8~14のいずれかに記載のベクターを保持する細胞。
- 16.請求項15に記載の細胞に対して、請求項8記載のベクターに含まれる遺伝子がコードする融合タンパク質の「リガンドが結合するドメイン」に作用するリガンドを作用させて、請求項15に記載の細胞を選択的に増殖させる方法。
- 17. (a)請求項5または8に記載のベクター、及び(b)該ベクターに含まれる遺伝子がコードする融合タンパク質の「リガンドが結合するドメイン」に作用するリガンド、を含むキット。

図 1

(A)

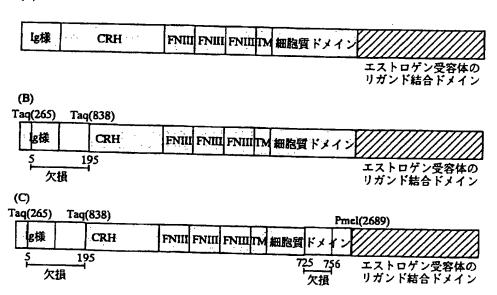
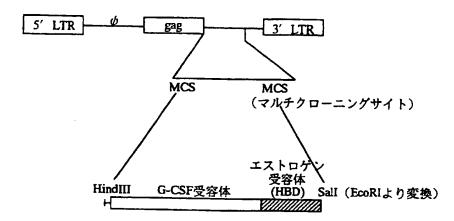
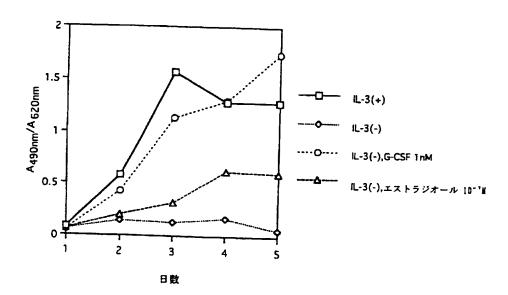
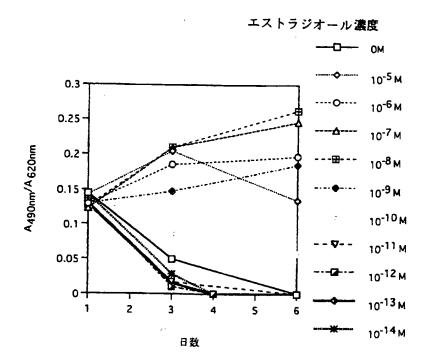


図 2

レトロウイルスベクター (pMX)

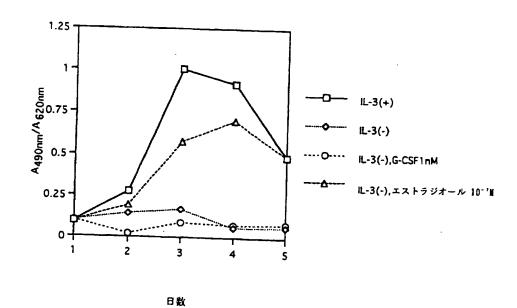


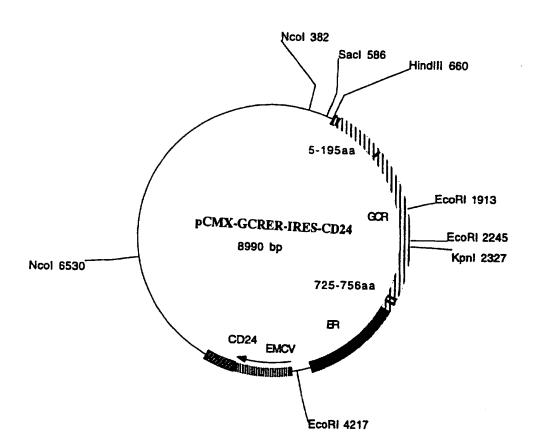


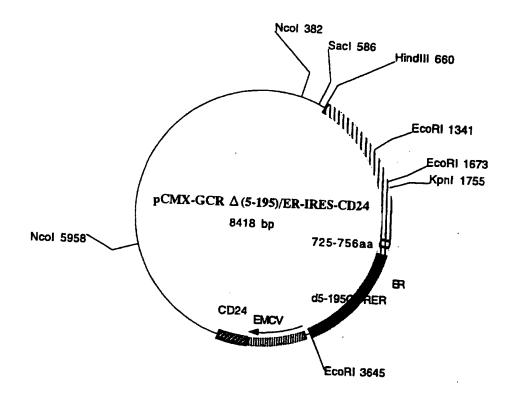


WO 97/32971 PCT/JP97/00687

5/13

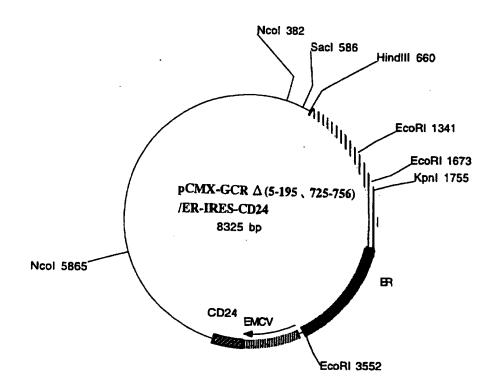


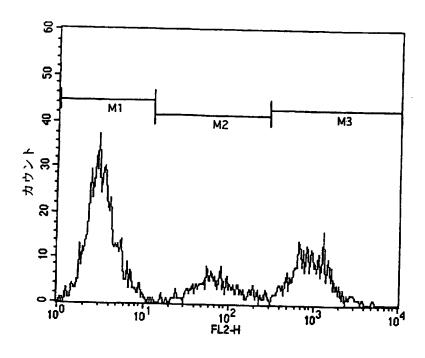


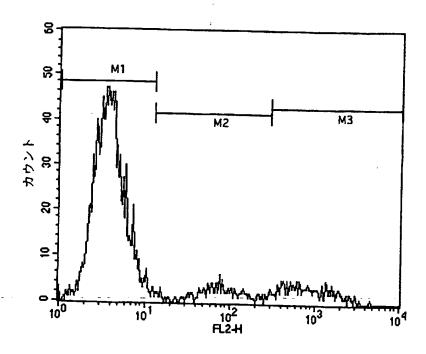


WO 97/32971 PCT/JP97/00687

8/13

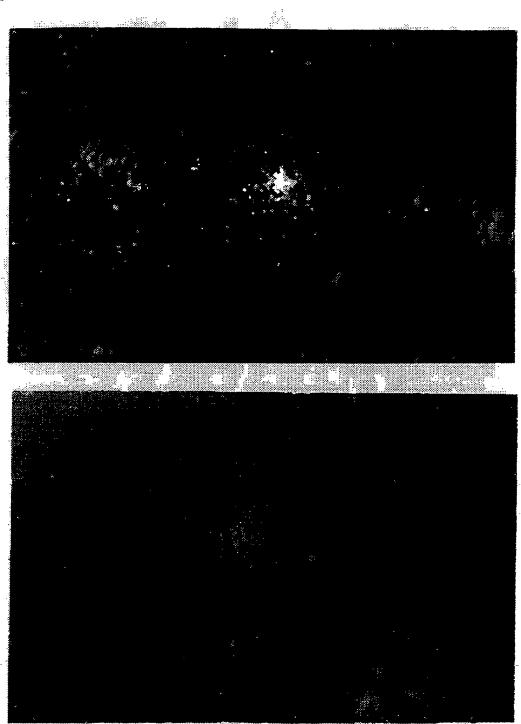


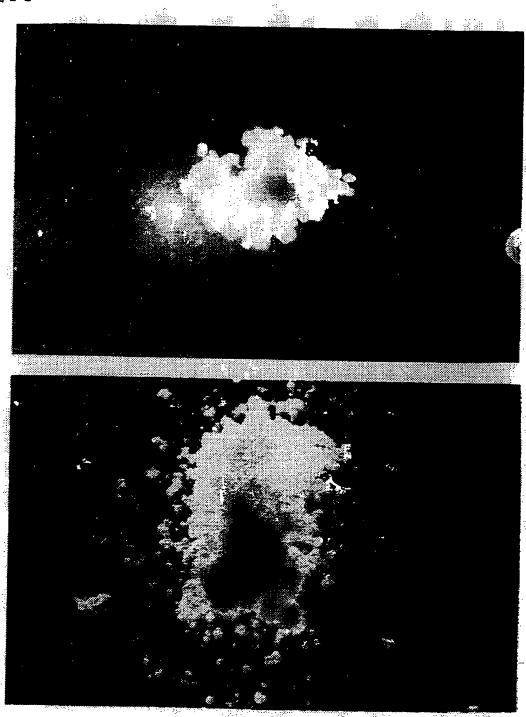




WO 97/32971 PCT/JP97/00687

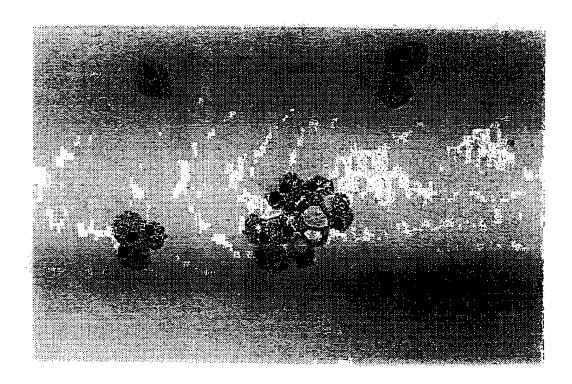
10/13





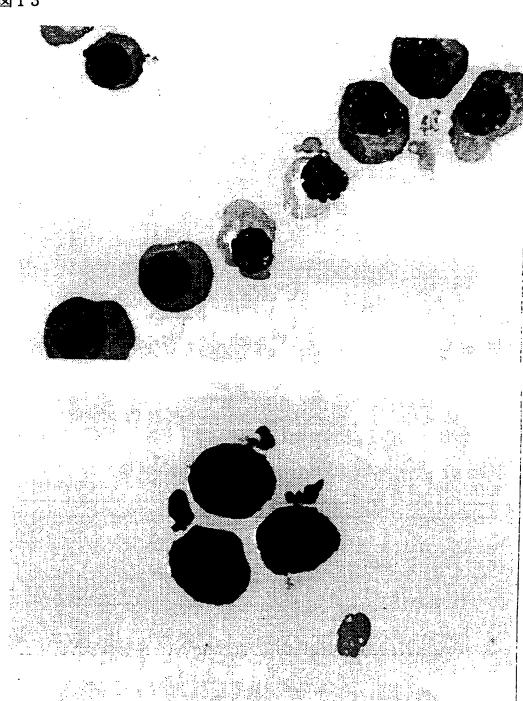
WO 97/32971 PCT/JP97/00687

12/13



WO 97/32971 PCT/JP97/00687

13/13



INTERNATIONAL SEARCH REPORT

International application No.
PCT/JP97/00687

	Assification of subject matter . Cl ⁶ Cl2n5/10, Cl2n15/62,	C07K19/00 C07K14/715	5 (07)14/72
	to International Patent Classification (IPC) or to bo		0, CO/R14/12
	LDS SEARCHED		
	ocumentation searched (classification system followed		
	. C1 ⁶ C12N5/10, C12N15/62,		
Documental	tion searched other than minimum documentation to the	extent that such documents are included in the	he fields searched
	ata base consulted during the international search (nam, WPI/L, BIOSIS PREVIEWS	e of data base and, where practicable, search (terms used)
C. DOCU	MENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT		
Category*	Citation of document, with indication, where	- -	Relevant to claim No.
A	Peter J. et al. "Hormone-c transformation by fusion p its transforming variants" Vol. 12, No. 7, p. 2809-28	roteins of c-Ab1 and EMBO J. (1993)	1 - 17
A	Nagata S. et al. "Granuloc factor and its receptor" p Ref. (1991) Vol. 3, p. 131	rog. Growth. Factor	1 - 17
PX	Ito K. et al. "G-CSFR-estrogen-R fusion cDNA as a novel selective amplifier gene for controllable expansion of transduced hematopoietic stem cells" Blood (1996, Dec.) Vol. 88, p. 137A		
PX	Ozawa K. et al. "Development of a novel selective amplifier gene for in vivo selective expansion of transduced hematopoietic stem cells" Experimental Hematology (1996, Aug.) Vol. 24, No. 9, p. 1053		
Furthe	r documents are listed in the continuation of Box C.	See patent family annex.	
Special categories of cited documents: "I" later document published after the international filing date or priority date and not in conflict with the application but cited to understand the application but cited to understand			ation but cited to understand
to be of particular relevance "E" earlier document but published on or after the international filing date "L" document which may throw doubts on priority claim(s) or which is cited to establish the publication date of another citation or other			
- special-reason (as specified) - "Y" document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered to involve an inventive step when the document is means			
document published prior to the international filing date but later than the priority date claimed "&" document member of the same patent family			
	June 4, 1997 (04. 06. 97) Date of mailing of the international search June 17, 1997 (17. 06. 97)		-
lame and ma	ailing address of the ISA/	Authorized officer	
	nese Patent Office	seamource officet	
acsimile No		Telephone No.	
m PCT/ISA	/210 (second sheet) (July 1992)		

発明の属する分野の分類(国際特許分類(IPC))

Int. C1° C12N5/10, C12N15/62, C07K19/00, C07K14/715, C07K1 4/72

B. 調査を行った分野

調査を行った最小限資料(国際特許分類(IPC))

Int. C1 ° C12N5/10, C12N15/62, C07K19/00, C07K14/715, C07K1 4/72

最小限資料以外の資料で調査を行った分野に含まれるもの

国際調査で使用した電子データベース(データベースの名称、調査に使用した用語)

WPI, WPI/L, BIOSIS PREVIEWS

引用文献の	ると認められる文献	W 25 C
カテゴリー*	引用文献名 及び一部の箇所が関連するときは、その関連する箇所の表示	関連する 請求の範囲の番号
٨	Peter J. et al. "Hormone-conditional transformation by fusion proteins of c-Abland its transforming variants" EMBO J. (1993) 第12巻 第7号 p. 2809-2819	1-17
A	Nagata S. et al. "Granulocyte colony-stimulating factor and its receptor" Prog. Growth Factor Res. (1991) 第3巻 p. 131-141	1-17
PX	Ito K.et al. "G-CSFR-estrogen-R fusion cDNA as a novel selective amplifier ge ne for controllable expansion of transduced hematopoietic stem cells" Blood (1996, Dec.) 第88巻 p. 137A	1-17
PX	Ozawa K. et al. "Development of a novel selective amplifier gene for in vivo s elective expansion of transduced hematopoietic stem cells" Experimental Hema tology (1996, Aug.) 第24卷 第9号 p. 1053	1-17

□ し側の枕さにも人畝か列挙されている。

└ パテントファミリーに関する別紙を参照。

- * 引用文献のカテゴリー
- 「A」特に関連のある文献ではなく、一般的技術水準を示す
- 「E」先行文献ではあるが、国際出願日以後に公表されたも
- 「L」優先権主張に疑義を提起する文献又は他の文献の発行 日若しくは他の特別な理由を確立するために引用する 文献(理由を付す)
- 「〇」口頭による開示、使用、展示等に含及する文献
- 「P」国際出願日前で、かつ優先権の主張の基礎となる出願 「&」同一パテントファミリー文献
- の日の後に公表された文献
- 「T」国際出願日又は優先日後に公表された文献であって て出願と矛盾するものではなく、発明の原理又は理 論の理解のために引用するもの
- 「X」特に関連のある文献であって、当該文献のみで発明 の新規性又は進歩性がないと考えられるもの
- 「Y」特に関連のある文献であって、当該文献と他の 1 以 上の文献との、当業者にとって自明である組合せに よって進歩性がないと考えられるもの

国際調査を完了した日 04.06.	国際調査報告の発送日 17.06.97
国際調査機関の名称及びあて先 日本国特許庁(ISA/JP)	特許庁審査官(権限のある職員) 平田 和男 日 4 B 9 5 4 9
郵便番号100 東京都千代田区霞が関三丁目4番3号	電話番号 03-3581-1101 内線 3449

SPECIFICATION

GENE THAT IMPARTS SELECTIVE PROLIFERATION ACTIVITY

Technical Field

The present invention relates to the field of genetic engineering, particularly the field of gene therapy.

Background Art

Various methods have so far been devised to treat diseases caused by congenital or acquired genetic defects, namely, gene disorders. In gene therapy, one such method, a defective gene itself is substituted by or supplemented with a normal gene in order to fundamentally cure gene disorders. It is important for the success of gene therapy to introduce a normal gene accurately into target cells and to express the introduced gene accurately. The conventionally used vectors for introducing a normal gene into target cells are viral vectors such as retrovirus vectors, adenovirus vectors, and adeno-associated virus vectors, and non-viral vectors such as liposomes. However, all have some shortcomings such as low gene introduction efficiency into target cells. Furthermore, they are often inadequate for treatment because of additional disadvantages such as poor expression efficiency of an introduced gene. In adenosine deaminase (ADA) deficiency, the normal ADA gene-introduced cells are expected to acquire a survival advantage or a growth advantage and gradually become dominant as a result of in vivo selection. In such a case, it may be possible to obtain gradual treatment effects despite the poor gene introduction efficiency. However, it is often necessary to introduce a gene for

treatment that cannot be selected *in vivo*. It has thus been desired to establish a system that enables selective amplification of cells containing an introduced gene.

Although G-CSF was traditionally considered as a cytokine (a hematopoietic factor) that selectively proliferates neutrophils, it has recently been reported that the administration of G-CSF increases not only neutrophils but also the hematopoietic stem cell/precursor cell pool in the body (Rinsho Ketsueki (Clinical Blood), 35, 1080 (1994)). The mechanism of manifestation of the G-CSF function has been reported to be dimerization of a G-CSF receptor that takes place upon activation of the G-CSF receptor by stimulation with G-CSF (Proc. Growth Factor Res., 3 (2), 131-141 (1991)). It has also been reported that the G-CSF receptor has a proliferation-inducing domain and a differentiation-inducing domain (Cell, 74, 1079-1087 (1993)). Moreover, like the G-CSF receptor, an estrogen receptor is known to be activated through dimerization (J Biol. Chem., 264, 2397-2400 (1989)), and there is a report that expression of a fusion protein between the estrogen receptor and c-Abl tyrosine kinase in the cell resulted in activation of the c-Abl tyrosine kinase (The EMBO Journal, 12, 2809-2819 (1993)).

Disclosure of the Invention

The present invention seeks to overcome the problem of poor gene introduction efficiency by selectively amplifying in vivo or ex vivo hematopoietic stem cells into which a gene for treatment has been introduced. The objective of the invention is to provide a fundamental technique for gene therapy targeting hematopoietic stem cells.

In the field of gene therapy today, there are numerous problems

to be overcome concerning the efficiency of gene introduction into target cells and the expression efficiency of the introduced gene. It is therefore obvious that establishing a system for selectively amplifying only the target cells containing the introduced gene will produce a major breakthrough. In particular, if such a system is established for hematopoietic stem cells, which are the origin of many blood cells such as red blood cells or white blood cells and which are considered to be the most preferable target cells for gene therapy, it would contribute significantly to the field of gene therapy.

G-CSF, which was traditionally thought to be a cytokine (a hematopoietic factor) that selectively proliferates neutrophils, can also proliferate hematopoietic stem cells. The G-CSF receptor dimerizes itself when it is activated. Considering these facts, the present inventors have thought of a system for amplifying hematopoietic stem cells through dimerization of a genetically engineered G-CSF receptor. Also based on the fact that the estrogen receptor dimerizes itself upon stimulation with estrogen, the present inventors have thought of constructing a chimeric gene between the G-CSF receptor gene and the estrogen receptor gene, introducing the chimeric gene into cells, and externally stimulating the cells by estrogen to forcibly dimerize the G-CSF receptor portion of the chimeric gene product.

Thus, the present invention was completed by developing a new system for selectively amplifying hematopoietic stem cells into which a gene has been introduced by activating the G-CSF receptor portion of the chimeric gene product through external stimulation with estrogen, so as to apply this system to the field of gene therapy.

The present invention relates to a fusion protein comprising a ligand-binding domain, a domain that associates when a ligand binds

to the ligand-binding domain, and a domain that imparts proliferation activity to a cell upon the association; a vector comprising a gene encoding the fusion protein; a cell containing the vector; and a method for selectively proliferating the cell either *in vivo* or *ex vivo* by exposing the cell to a steroid hormone. Furthermore, when the vector contains an exogenous gene, the present invention relates to a method for selectively proliferating a cell into which the exogenous gene has been introduced.

More specifically, the present invention relates to:

- a fusion protein comprising, (a) a ligand-binding domain, (b) a
 domain that associates when the ligand binds to the domain of (a),
 and (c) a domain comprising a cytokine receptor or a part thereof
 that imparts proliferation activity to a cell upon the association;
- (2) the fusion protein of (1), wherein the "domain comprising a cytokine receptor or a part thereof that imparts proliferation activity to a cell upon the association" is derived from a G-CSF receptor;
- (3) the fusion protein of (1), wherein the "ligand-binding domain" is derived from a steroid hormone receptor;
- (4) the fusion protein of (3), wherein the steroid hormone receptor is an estrogen receptor;
- (5) a vector comprising a gene encoding the fusion protein of (1);
- (6) a cell carrying the vector of (5);
- (7) a method for selectively proliferating the cell of (6), which comprises exposing the cell of (6) to a ligand capable of acting on the "ligand-binding domain" of the fusion protein of (1);
- (8) a vector comprising a desired exogenous gene and a gene encoding a fusion protein comprising (a) a ligand-binding domain, (b) a domain that associates when the ligand binds to the domain of (a), and

- (c) a domain that imparts proliferation activity to a cell upon the association;
- (9) the vector of (8), wherein the "domain that imparts proliferation activity to a cell upon the association" is derived from a cytokine receptor;
- (10) the vector of (9), wherein the cytokine receptor is a G-CSF receptor;
- (11) the vector of (8), wherein the "ligand binding domain" is derived from a steroid hormone receptor;
- (12) the vector of (11), wherein the steroid hormone receptor is an estrogen receptor;
- (13) the vector of (8), wherein the "gene encoding a fusion protein" and the "exogenous gene" are located on the same molecule;
- (14) the vector of (8), wherein the "gene encoding a fusion protein" and the "exogenous gene" are located on separate molecules;
- (15) a cell carrying the vector of any one of (8) to (14) above;
- (16) a method for selectively proliferating the cell of (15), which comprises exposing the cell of (15) to a ligand capable of acting on the "ligand-binding domain" of the fusion protein encoded by the gene contained in the vector of (8); and
- (17) a kit comprising (a) the vector of (5) or (8), and (b) a ligand capable of acting on the "ligand-binding domain" of the fusion protein encoded by the gene contained in the vector.

Any ligand can be used in the present invention as long as it acts on a specific protein to cause association of the protein, but a steroid hormone is preferable. Examples of the steroid hormone include estrogens, androgens, progesterone, glucocorticoids, and mineral corticoids. They are used in combination with their respective

receptor proteins. Any cytokine receptor can also be used in the present invention as long as it imparts proliferation activity to a cell upon association. Examples of the cytokine receptor are those belonging to the cytokine receptor family including G-CSF and those belonging to the tyrosine kinase receptor family including c-kit and flk2/flt3.

As the "domain which imparts proliferation activity to a cell" of the fusion protein according to the present invention, it is possible to use a molecule that transmits the intracellular proliferation signal, for example, an entire molecule of a cytokine receptor. It is also possible to use only a domain in the molecule that imparts proliferating activity to a cell. The latter approach is advantageous in proliferating the cell as it is because the domain proliferates the cell into which the fusion protein-coding gene has been introduced without differentiating it. Furthermore, the vector used in the present invention includes not only a single vector molecule containing the fusion protein-coding gene and a single vector molecule containing the fusion protein - coding gene and the exogenous gene, but also includes a vector system of multiple vector molecules comprising a combination of a vector containing the fusion protein-coding gene and a vector containing the exogenous gene, for example, a binary vector system. Such a vector system of multiple vector molecules is usually introduced into a cell by co-transformation.

When a gene encoding the fusion protein and an exogenous gene are inserted into the same vector, they may be made into a dicistronic form containing an internal ribosome entry site (IRES) (published PCT Application in Japan No. Hei 6-509713). For example, it is possible to use a vector having a structure containing, from 5' to 3', a promoter,

an exogenous gene, IRES, and a gene encoding the fusion protein or a vector having a structure containing, from 5'to 3', a promoter, a gene encoding the fusion protein, IRES, and an exogenous gene. The former type is generally used to allow most of the cells expressing the fusion protein gene to express the exogenous gene.

Moreover, in the present invention, the cell into which the vector is introduced includes hematopoietic stem cells, lymphatic cells, and cells other than these blood cells. In particular, hematopoietic stem cells that can self-proliferate are preferable in the present invention. Although the exogenous gene to be introduced into the cell in the present invention is not particularly limited, a normal gene corresponding to a defective gene is generally used in the field of gene therapy.

Brief Description of the Drawings

Fig. 1 (A) shows a chimeric molecule between the G-CSF receptor and the estrogen receptor (GCRER). (B) shows a mutant of the chimeric molecule between the G-CSF receptor and the estrogen receptor, deficient in the 5th through the 195th amino acids of the G-CSF receptor (GCR Δ (5-195)/ER). (C) shows a mutant of the chimeric molecule between the G-CSF receptor and the estrogen receptor, deficient in the 5th through 195th amino acids and the 725th through 756th amino acids of the G-CSF receptor (GCR Δ (5-195, 725-756)/ER).

Fig. 2 shows a retrovirus vector "pMX" in which a chimeric gene between the G-CSF receptor and the estrogen receptor has been incorporated.

Fig. 3 shows proliferation of the Ba/F3 cells transformed with "pCMX-GCRER" with the passage of time.

- Fig. 4 shows proliferation of the Ba/F3 cells transformed with "pCMX-GCRER" with the passage of time; the cells were stimulated with various concentrations of estradiol.
- Fig. 5 shows proliferation of the Ba/F3 cells transformed with "pCMX-GCR Δ (5-195)/ER" with the passage of time.
 - Fig. 6 shows plasmid "pCMX-GCRER-IRES-CD24."
 - Fig. 7 shows plasmid "pCMX-GCR∆ (5-195)/ER-IRES-CD24."
 - Fig. 8 shows plasmid "pCMX-GCR Δ (5-195, 725-756)/ER-IRES-CD24."
- Fig. 9 shows the expression of CD24 in the Ba/F3 cells into which "pCMX-GCR Δ (5-195)/ER-IRES-CD24" has been introduced, detected by flow cytometry. The upper panel shows the results from the Ba/F3 cells into which "pCMX-GCR Δ (5-195)/ER-IRES-CD24" has been introduced; the lower panel shows the result from the Ba/F3 cells into which "pCMX-GCR Δ (5-195)/ER" has been introduced as a control. (Note that the data also contain the signal from propidium iodide that was used to detect dead cells.)
- Fig. 10 is a microscopic photograph showing granulocyte-macrophagelineagecoloniesderivedfrombonemarrowcells into which "vMXGCRER" has been introduced.
- Fig. 11 is a microscopic photograph showing erythroblastic colonies derived from the bone marrow cells into which "vMXGCR Δ (5-195)/ER" has been introduced.
- Fig. 12 is a microscopic photograph showing the Wright-Giemsa-stained macrophage which have differentiated from the bone marrow cells into which "vMXGCRER" was introduced.
- Fig. 13 is a microscopic photograph showing the Wright-Giemsa-stained erythroblasts which have differentiated from the bone marrow cells into which "vMXGCR Δ (5-195)/ER" was introduced.

Best Mode for Implementing the Invention

Example 1 Constructing the chimeric G-CSF receptor/estrogen receptor gene (a selective amplification gene)

In order to produce a chimeric protein comprising the entire G-CSF receptor and the ligand (estrogen) -binding domain of the estrogen receptor (hereafter designated simply as "GCRER"), the fusion gene having cDNAs that encode the respective proteins (Fig. 1(A)) was constructed. Next, a mutant of the fusion gene, "GCRER," which is deficient in the 5th residue, Glu, through the 195th residue, Leu, of the G-CSF receptor extracellular domain (hereafter designated simply as "GCR Δ (5-195)/ER") was consturcted, in order to produce a chimeric protein that lacks reactivity against G-CSF (Fig. 1(B)). Further, a mutant was constructed by deleting a portion containing the differentiation-inducing domain (725-756) of the G-CSF receptor from the mutant (hereafter designated simply as "GCR Δ (5-195, 725-756)/ER") (Fig. 1(C)).

Example 2 Isolation of Ba/F3 cells into which was introduced the chimeric G-CSF receptor/estrogen receptor gene, which is a selective amplification gene

The three kinds of selective amplification genes prepared in Example 1 were introduced into plasmid "pCMX" (Cancer Res. 56:4164 (1996)). Ten μ g each of the resulting plasmids were introduced into the Ba/F3 cell, which is an IL-3-dependent cell line, together with 1μ g of the ScaI-linearized "pSV2bsr" (Kaken Pharmaceuticals) carrying a blasticidin resistance gene, by electroporation. After the electroporation, the cells were distributed into 24-well plates at 5×10^5 cells per well, and cultured in a medium containing 10μ g/ml

of blasticidin. Proliferation of blasticidin resistant cells was observed in 11 out of 17 wells where "pCMX-GCRER" was introduced, in 3 out of 29 wells where "pCMX-GCR Δ (5-195)/ER" was introduced, and in 52 out of 52 wells where "pCMX-GCR Δ (5-195, 725-756)/ER" was introduced. After allowing these blasticidin resistant cells to proliferate in individual wells with IL-3, the cells were cultured with 10⁻⁷ M estradiol instead of IL-3. Proliferation of IL-3-independent and estrogen-dependent cells was observed in 7 out of 11 wells where "pCMX-GCRER" was introduced, in 3 out of 3 wells where "pCMX-GCR Δ (5-195)/ER" was introduced, and in 13 out of 16 wells where "pCMX-GCR Δ (5-195, 725-756)/ER" was introduced. When a similar experiment was performed using, in place of "pCMX-GCRER," a retrovirus vector "pMX" (Exp. Hematol. 24: 324 (1996)) into which "GCRER" had been inserted (hereafter designated simply as "pMX-GCRER") (Fig. 2), proliferation of IL-3-independent and estrogen-dependent cells was observed in 2 out of the 24 wells each containing one cell. Also, when 1 nM G-CSF was added in place of estradiol to the cells into which "pCMX-GCRER" was introduced, those wells that showed G-CSF-dependent proliferation were the same as those that had shown estradiol-dependent proliferation. Moreover, when the Ba/F3 cells containing no plasmid were used as a control, neither G-CSF-dependent proliferation nor estradiol-dependent proliferation was observed. The production of the desired fusion protein in the cells was confirmed by western blotting using an anti-G-CSF receptor antibody or an anti-estrogen receptor antibody.

Example 3 Analysis of cell proliferation by estradiol

Among the clones obtained by limiting dilution in Example 2, those showing good response to estradiol were selected and used in

the following experiment (XTT assay).

The Ba/F3 cells into which "pCMX-GCRER" was introduced were examined. There were IL-3-independent cells that proliferated by stimulation with G-CSF or estradiol (Fig. 3). Moreover, when the same experiment was done while varying the estradiol concentrations between 10^{-14} and 10^{-7} M, cell proliferation was observed in the range from 10^{-9} to 10^{-7} M (Fig. 4). This result suggests that estradiol transmits the cell proliferation signal at the concentrations between 10^{-9} and 10^{-7} M.

The Ba/F3 cells into which "pCMX-GCR Δ (5-195)/ER" was introduced were then examined. The results indicated that the cell proliferation by G-CSF stimulation was blocked and the estradiol stimulation alone caused cell proliferation (Fig. 5).

Similarly, for Ba/F3 cells into which "pCMX-GR Δ (5-195, 725-756)/ER" was introduced, cell proliferation was caused by estrogen stimulation, but no response to G-CSF was observed.

Example 4 Construction of the IRES-CD24 expression plasmid

"PCMX-GCRER" was digested with HindIII and EcoRI, and the vector fragment ("fragment 1") was recovered. Also, from "pCMX-GCRER" and "pCMX-GCRΔ(5-195)/ER," the HindIII fragment ("fragment 2," 1672 bp) and the KpnI fragment ("fragment 3," 1099 bp), and the EcoRI fragment ("fragment 4," 1888 bp) and the KpnI fragment ("fragment 5," 1792 bp) were recovered. PBCEC (pBluescript II KS ligated to IRES and CD24 derived from EMCV, Migita, M., Proc. Natl. Acad. Sci. USA 92:12075 (1995)) was digested with ApoI, and the fragment containing IRES-CD24 ("fragment 6," 950 bp) was recovered. "pCMX-GCRER-IRES-CD24" (Fig. 6) was constructed by ligating "fragment 1," "fragment 2," "fragment 4," and "fragment 6." "pCMX-GCRΔ(5-195)/ER-IRES-CD24" (Fig. 7) was

constructed by ligating "fragment 1," "fragment 3," "fragment 4," and "fragment 6." "pCMX-GCR Δ (5-195, 725-756)/ER-IRES-CD24" (Fig. 8) was constructed by ligating "fragment 1," "fragment 3," "fragment 5," and "fragment 6."

Example 5 Intracellular expression of CD24

After 107 Ba/F3 cells were washed twice with PBS and once with "OPTI-MEM1" (Gibco-BRL), the cells were suspended into 0.2 ml of "OPTI-MEM1." Ten mg each of "pCMX-GCRER-IRES-CD24," "pCMX-GCR \Delta (5-195) /ER-IRES-CD24," and "pMX-GCR Δ (5-195, 725-756) /ER-IRES-CD24" was added to the cells, and transformation was performed using "Gene Pulser" (BioRad) at 290 V, 960 mF. After the transformation, the cells were cultured for two days in the RPMI medium containing 10% FCS and 10 U/ml mIL-3 (R&D SYSTEMS). After 106 cells were washed with 5 % FCS/PBS, the cells were reacted with 1 mg/ml of the anti-CD24 antibody (Pharmingen) for 30 minutes at room temperature. The cells were then washed twice with 5% FCS/PBS, reacted with a 1:20 dilution of the PE-labeled anti-mouse antibody (DAKO) for 30 minutes at room temperature, and washed again twice with 5% FCS/PBS. The cells were suspended in 1 ml of 5 mg/ml propidium iodide/PBS, and the CD24 expression was analyzed by flow cytometry (Becton Dickinson) using a 585 nm detector. The CD24 expression was detected from a number of the cells into which "pCMX-GCR \Delta (5-195)/ER-IRES-CD24" had been introduced. In this experiment, the cells into which "pCMX-GCR Δ (5-195)/ER" was introduced were used as a control against the cells having "pCMX-GCR Δ (5-195)/ER-IRES-CD24" introduced. The results are shown in Fig. 9 and Table 1. Note that the data contain the signal from propidium iodide that was used to detect the dead cells.

Introduced plasmid	Anti-CD24 antibody	Anti-CD24 antibody
	(-) cells	(+) cells
PCMX-GCRΔ(5-195) /ER-IRES-CD24	59.77 %	40.23%
pCMX-GCRΔ(5-195) /ER	85.10 %	14.90 %

Example 6 Progenitor assays

5-Fluorouracil (5FU: Wako Pure Chemical Industries, Ltd.) in physiological saline (10 mg/ml) was intravenously injected into four 6-week-old C57BL mice at a dose of 330 ml/mouse. Two days after the injection, bone marrow was collected from femurs, centrifuged (1,500 rpm, 25°C, 22 min) on "Lymphocyte-M" (Cederlane) to isolate mononuclear cells. The mononuclear cells were cultured for two days in the Iscove modified Dulbecco medium (IMDM; Gibco) supplemented with 20% FCS, 100 U/ml IL6, and 100 mg/ml rat SCF. On a CH296 (Takara Shuzo; Hanenberg, H. et al., Nature Med. 2: 876 (1996))-coated plate (1146: Falcon) 106 bone marrow cells pretreated with IL6 and SCF were suspended in a culture supernatant containing 108 of either the retrovirus "vMXGCRER" (obtained in the culture supernatant of an ecotropic packaging cell line "GP+E-86" (J. Virol. 62: 1120 (1988)) and having "pMX-GCRER" incorporated therein) or the retrovirus "vMXGCR Δ (5-195)/ER" (obtained in the culture supernatant of an ecotropic packaging cell line "GP+E-86" and having "pMX-GCR Δ (5-195)/ER" introduced therein). The cells were cultured in the presence of IL6 and SCF. The viral supernatants were replaced at 2, 24, 26, 36, and 38 hours. Twenty-four hours after the sixth viral supernatant replacement, the cells were

transferred into a medium containing methylcellulose (IMDM, 1.2% methylcellulose 1,500 cp; Wako, 20% FCS, 1% deionized BSA, 10 mM 2-mercaptoethanol, 10⁻⁷ M b-estradiol) at 10⁴/well. After culturing for 10 days, colonies were observed under the microscope. Smear samples were prepared and subjected to Wright-Giemsa staining to identify the cells.

Among the bone marrow cells infected with "vMXGCRER" or "vMXGCR Δ (5-195)/ER," granulocyte-macrophage lineage colonies erythroblast lineage colonies, which had differentiated from the bone marrow cells by the estradiol stimulation, were observed. Fig. 10 shows the granulocyte-macrophage lineage colonies derived from the "vMXGCRER"-infected bone marrow cells by the estradiol stimulation; Fig. 11 shows the erythroblast lineage colonies derived from the "vMXGCR Δ (5-195)/ER"-infected bone marrow cells upon the estradiol stimulation. When the cells constituting these colonies were made into smear samples and subjected to Wright-Giemsa staining, differentiated blood cell images were obtained. Fig. 12 shows the Wright-Giemsa stained image of the macrophage observed in the smear samples of the granulocyte-macrophage lineage colonies derived from the "vMXGCRER"-infected bone marrow cells; Fig. 13 shows the Wright-Giemsa stained image of the erythroblasts observed in the smear samples of the erythroblast lineage colonies derived from the "vMXGCR Δ (5-195)/ER"-infected bone marrow cells.

Industrial Applicability

The present invention has made it possible to selectively amplify a cell into which an exogenous gene has been introduced, in response to an external stimulus, thereby enabling effective gene

therapy even when the introduction efficiency of the gene into the target cells is low. Furthermore, since the system for selectively amplifying cells of the present invention can be applied to various blood cells, the range of cells targeted in gene therapy has been widened. Therefore, the present invention provides an important basic technology, particularly in the field of gene therapy.

Claims

- A fusion protein comprising (a) a ligand-binding domain,
 (b) a domain that associates when a ligand binds to the domain of
 (a), and (c) a domain comprising a cytokine receptor or a part thereof
 that imparts proliferation activity to a cell upon the association.
- 2. The fusion protein of Claim 1, wherein the "domain comprising a cytokine receptor or a part thereof that imparts proliferation activity to a cell upon the association" is derived from a G-CSF receptor.
- 3. The fusion protein of Claim 1, wherein the "ligand-binding domain" is derived from a steroid hormone receptor.
- 4. The fusion protein of Claim 3, wherein the steroid hormone receptor is an estrogen receptor.
- 5. A vector comprising a gene encoding the fusion protein of Claim 1.
 - 6. A cell carrying the vector of Claim 5.
- 7. A method for selectively proliferating the cell of Claim 6, which comprises exposing the cell of Claim 6 to a ligand capable of acting on the "ligand-binding domain" of the fusion protein of Claim 1.
- 8. A vector comprising a desired exogenous gene and a gene encoding a fusion protein comprising (a) a ligand-binding domain, (b) a domain that associates when a ligand binds to the domain of (a), and (c) a domain that imparts proliferation activity to a cell upon the association.
- 9. The vector of Claim 8, wherein the "domain that imparts proliferation activity to a cell upon the association" is derived

from a cytokine receptor.

- 10. The vector of Claim 9, wherein the cytokine receptor is a G-CSF receptor.
- 11. The vector of Claim 8, wherein the "ligand-binding domain" is derived from a steroid hormone receptor.
- 12. The vector of Claim 11, wherein the steroid hormone receptor is an estrogen receptor.
- 13. The vector of Claim 8, wherein the "gene encoding a fusion protein" and the "exogenous gene" are located on the same molecule.
- 14. The vector of Claim 8, wherein the "gene encoding a fusion protein" and the "exogenous gene" are located on separate molecules.
- 15. A cell carrying the vector according to any one of claims 8 to 14.
- 16. A method for selectively proliferating the cell of Claim 15, which comprises exposing the cell of Claim 15 to a ligand capable of acting on the "ligand-binding domain" of the fusion protein encoded by the gene contained in the vector of Claim 8.
- 17. A kit comprising (a) the vector of Claim 5 or Claim 8, and (b) a ligand capable of acting on the "ligand-binding domain" of the fusion protein encoded by the gene contained in the vector.

Abstract

Selective amplification of cells is enabled by introducing into cells a gene encoding a fusion protein comprising (a) a ligand-binding domain, (b) a domain that associates when the ligand binds to the domain of (a), and (c) a domain that imparts proliferation activity to the cells upon the association and stimulating the cells with the ligand.

This Page is Inserted by IFW Indexing and Scanning Operations and is not part of the Official Record

BEST AVAILABLE IMAGES

Defective images within this document are accurate representations of the original documents submitted by the applicant.

Defects in the images include but are not limited to the items checked:	
BLACK BORDERS	
☐ IMAGE CUT OFF AT TOP, BOTTOM OR SIDES	
☐ FADED TEXT OR DRAWING	
BLURRED OR ILLEGIBLE TEXT OR DRAWING	
SKEWED/SLANTED IMAGES	
☐ COLOR OR BLACK AND WHITE PHOTOGRAPHS	
☐ GRAY SCALE DOCUMENTS	
☐ LINES OR MARKS ON ORIGINAL DOCUMENT	
REFERENCE(S) OR EXHIBIT(S) SUBMITTED ARE POOR QUALITY	
□ OTHER:	

IMAGES ARE BEST AVAILABLE COPY.

As rescanning these documents will not correct the image problems checked, please do not report these problems to the IFW Image Problem Mailbox.